

Aktuelle Versionen der Dateien zur ADT/GEKID-Schnittstelle

Datei	Aktuelle Version	Stand
XML-Schema-Datei	ADT_GEKID-Schema_v2.1.0.xsd	08. 12. 2017
Graphische Darstellung des XML-Schemas	ADT_GEKID-Schema_v2.1.0.pdf	08. 12. 2017
Vereinfachte Baumdarstellung des XML-Schemas	ADT_GEKID-Schema_v2.1.0.txt	08. 12. 2017
Erläuterungsdokument zum XML-Schema	ADT_GEKID-Schema_v2.1.0_Beschreibung.pdf	08. 12. 2017
Zielgebietsschlüssel zum XML-Schema	Zielgebietsschlüssel_zu_v2_1_0.pdf	08. 12. 2017
Diese Datei	ADT_GEKID_Schema_Versionshistorie_v.2.1.0.pdf	08. 12. 2017

Änderungshistorie

08. 12. 2017

XML-Schema-Datei auf Version 2.1.0 (von 2.0.0)

Dem Attribut "Schema_Version" wurde der Enumerations-Wert "2.1.0" hinzugefügt.

Um die Übermittlung des im Bundesanzeiger veröffentlichten Moduls zur Dokumentation des Prostatakrebses zu ermöglichen, wurden neue Elemente "Modul_Prostata" zu den vorhandenen Elementen "Diagnose", "OP" und "Verlauf" hinzugefügt.

Das folgende neue Typ-Element wurde ebenso hinzugefügt:

- Modul_Prostata_Typ
Ein komplexer Typ zur Abbildung des Moduls Prostatakarzinom mit den Feldern:
 - GleasonScore
 - GleasonGradPrimaer
 - GleasonGradSekundaer
 - GleasonScoreErgebnis
 - AnlassGleasonScore
 - DatumStanzen
 - AnzahlStanzen
 - AnzahlPosStanzen
 - CaBefallStanze
 - Prozentzahl
 - U
 - PSA
 - DatumPSA
 - KomplPostOP_ClavienDindo

Im Element "Bestrahlung->ST_Zielgebiet" wurden der Enumerationsliste die beiden Werte
3.3.+ Brustwand (z.B. Rezidive n. Ablatio Sarkome) mit Lymphknoten
3.3.- Brustwand (z.B. Rezidive n. Ablatio Sarkome) ohne Lymphknoten
hinzugefügt.

20.03.2017

XML-Schema-Datei auf Version 2.0.0 (von 1.0.5)

Dem Root-Element "ADT_GEKID" wurde das Pflicht-Attribut "Schema_Version" hinzugefügt.

Um die Übermittlung der im Bundesanzeiger veröffentlichten Module zur Dokumentation des Brust- und Darmkrebses zu ermöglichen, wurden neue Elemente "Modul_Mamma" und "Modul_Darm" zu den vorhandenen Elementen "Diagnose" und "OP" hinzugefügt.

Zusätzlich wurde ein neues Element "Modul_Allgemein" (für modul-übergreifende Felder) zu den vorhandenen Elementen "Diagnose", "OP", "ST", "SYST" und "Verlauf" hinzugefügt.

Die folgenden neuen Typ-Elemente wurden ebenso hinzugefügt:

- **Modul_Mamma_Typ**
Ein komplexer Typ zur Abbildung des Moduls Mammakarzinom mit den Feldern:
 - Praetherapeutischer_Menopausenstatus
 - HormonrezeptorStatus_Oestrogen
 - HormonrezeptorStatus_Progesteron
 - Her2neuStatus
 - PraeopDrahtmarkierung
 - IntraopPraeparatkontrolle
 - TumorgroesseInvasiv
 - TumorgroesseDCIS
- **Modul_Darm_Typ**
Ein komplexer Typ zur Abbildung des Moduls Kolorektales Karzinom mit den Feldern:
 - RektumAbstandAnokutanlinie
 - RektumAbstandAboralerResektionsrand
 - RektumAbstandCircResektionsebene
 - RektumQualitaetTME
 - RektumMRTDuennschichtAngabemesorektaleFaszie
 - ArtEingriff
 - RektumAnzeichnungStomaposition
 - GradRektumAnastomoseninsuffizienz
 - ASA
 - RASMutation
- **Modul_Allgemein_Typ**
Ein komplexer Typ zur Abbildung der zwei Felder, die zu beiden Modulen gehören:
 - DatumSozialdienstkontakt
 - DatumStudienrekrutierung
- **Hormonrezeptor_Typ**
Ein Typ für die folgenden drei Felder aus dem Modul Mammakarzinom
 - HormonrezeptorStatus_Oestrogen
 - HormonrezeptorStatus_Progesteron
 - Her2neuStatus
- **Zahl_3stellig_Typ**
Ein Typ für die folgenden Felder aus den Modulen Mammakarzinom und Kolorektales Karzinom
 - TumorgroesseInvasiv
 - TumorgroesseDCIS
 - RektumAbstandAnokutanlinie
 - RektumAbstandAboralerResektionsrand
 - RektumAbstandCircResektionsebene
- **Datum_NU_Typ**

Ein Typ für die folgenden zwei Felder aus dem Modul Mammakarzinom

- DatumSozialdienstkontakt
- DatumStudienrekrutierung

Bei folgenden (Typ-)Elementen von Feldern mit Wertelisten wurde die Validierung auf bestimmte Werte von regulären Ausdrücken auf Enumeration umgestellt (ACHTUNG: dadurch keine Übertragung dieser Felder ohne Wert mehr möglich):

- JNU_Typ
- Histologie_Typ->Grading
- Menge_TNM_Typ->TNM->TNM_y_Symbol
- Menge_TNM_Typ->TNM->TNM_r_Symbol
- Menge_TNM_Typ->TNM->TNM_a_Symbol
- Menge_TNM_Typ->TNM-> TNM_c_p_u_Praefix_T
- Menge_TNM_Typ->TNM-> TNM_c_p_u_Praefix_N
- Menge_TNM_Typ->TNM-> TNM_c_p_u_Praefix_M
- Menge_TNM_Typ->TNM->TNM_L
- Menge_TNM_Typ->TNM->TNM_V
- Menge_TNM_Typ->TNM->TNM_Pn
- Menge_TNM_Typ->TNM->TNM_S
- Menge_FM_Typ->Fernmetastase->FM_Lokalisation
- Nebenwirkung_Typ->Nebenwirkung_Grad
- Patienten_Geschlecht
- Meldung->Meldebegründung
- Tumorzuordnung->Seitenlokalisierung (neuer Typ: Seitenlokalisierung_Typ)
- Diagnose->Seitenlokalisierung (neuer Typ: Seitenlokalisierung_Typ)
- Diagnose->Diagnosesicherung
- Verlauf->Gesamtbeurteilung_Tumorstatus
- Verlauf->Verlauf_Lokaler_Tumorstatus
- Verlauf->Verlauf_Tumorstatus_Lymphknoten
- Verlauf->Verlauf_Tumorstatus_Fernmetastasen
- OP->OP_Intention
- OP->Menge_Komplikation->OP_Komplikation
- ST->ST_Intention
- ST->ST_Stellung_OP
- Bestrahlung->ST_Zielgebiet
(Hier wurden zusätzlich einige neue Werte (grobe Regionen) eingefügt.)
- Bestrahlung->ST_Seite_Zielgebiet
- Bestrahlung->ST_Applikationsart
- Bestrahlung->ST_Ende_Grund
- SYST->SYST_Intention
- SYST->SYST_Stellung_OP
- SYST->Menge_Therapieart->SYST_Therapieart
- SYST->SYST_Ende_Grund
- Tumorkonferenz->Tumorkonferenz_Typ

Folgende Felder wurden neu mit Enumerationen versehen:

- Nebenwirkung_Typ->Nebenwirkung_Version
- Diagnose->Allgemeiner_Leistungszustand (neuer Typ: Allgemeiner_Leistungszustand_Typ)
- Verlauf->Allgemeiner_Leistungszustand (neuer Typ: Allgemeiner_Leistungszustand_Typ)
- Diagnose->Primaertumor_ICD_Version

- Diagnose->Primaertumor_Topographie_ICD_O_Version
- Histologie->Morphologie_ICD_O_Version
- TNM->TNM_Version
- OP->OP_OPS_Version

Das Feld "Diagnose->Fruehere_Tumorerkrankungen" wurde durch das neue Mehrfachfeld "Diagnose->Menge_Fruehere_Tumorerkrankung->Fruehere_Tumorerkrankung" mit den drei Kindelementen "Freitext", "ICD_Code" und "Diagnosedatum" ersetzt.

Viele Felder (hauptsächlich Enumerations-Felder und ihre Werte) wurden mit Annotationen versehen.

Maximale Länge der Patienten-PLZ im PLZ_Typ wurde auf 10 Zeichen eingestellt, wie im Basisdatensatz vorgesehen.

Weitere Änderungen/Berichtigungen:

- ICD_Version
 - Es wurde ein neuer Typ "ICD_Version_Typ" eingeführt
 - Alle Werte außer "Sonstige" wurden um eine führende "10" (für Version ICD 10) erweitert
 - Der Enumeration wurden die neuen Werte "10 2018 GM" und "Sonstige" hinzugefügt
 - Das Feld "Diagnose->Primaertumor_ICD_Version" wurde auf den Typ "ICD_Version_Typ" umgestellt
 - Im Element "Tumorzuordnung" wurde ein Feld "Primaertumor_ICD_Version" ergänzt
 - Im Element "Fruehere_Tumorerkrankung" wurde ein Feld "ICD_Version" ergänzt
 - Im Element "Verlauf->Tod->Menge_Todesursache" wurde ein Feld "Todesursache_ICD_Version" ergänzt
- OP_OPS_Version
 - neuen Wert "2018" der Enumeration hinzugefügt
- Nebenwirkung_Version
 - neuen Wert "Sonstige" hinzugefügt
 - Ann.: Falls andere bzw. ältere Versionen verwendet werden
- Diagnose->...->Fruehere_Tumorerkrankung->ICD_Code
 - Im Feldnamen "ICD_Code" wurde der 1. Buchstabe kleines "L" durch ein großes "I" ersetzt
- Modul_Allgemein
 - in Element "OP" eingefügt
- Datum_NU_Typ
 - wurde in einen komplexen Typ mit den zwei Feldern "Datum" und "NU" geändert.
- Menge_TNM_Typ
 - wurde reduziert auf "TNM_Typ" als Typ
- Menge_TNM
 - wurde in "Diagnose" ersetzt durch zwei Felder "cTNM" und "pTNM"
 - wurde in "Op" und "Verlauf" ersetzt durch das Feld "TNM"
- Strahlendosis_Typ

- als neuen Typ angelegt mit den Feldern "Dosis" (xs:decimal, >0.0) und Einheit (Enumeratiion: Gy, GBq)
- Menge_Bestrahlung->Bestrahlung
 - Typ vom Feld "ST_Gesamtdosis" von xs:string auf "Strahlendosis_Typ" geändert
 - Typ vom Feld "ST_Einzeldosis" von xs:string auf "Strahlendosis_Typ" geändert

01.04.2016

XML-Schema-Datei auf Version 1.0.5 (von 1.0.3)

Da die Constraints nicht funktionierten, wurde der Namespace „tns“ eingeführt und in den definierten Constraints ergänzt.

Da die Mehrfachverwendung von Elementnamen zu Problemen führen kann (z. B. bei der automatischen Generierung von Klassen aus dem Schema) wurden die folgenden Typen erweitert und umbenannt:

- FM_Typ geändert in Menge_FM_Typ
Anpassung der Elemente „Menge_FM“ in den Elementen „Diagnose“ und „Verlauf“ auf den geänderten Typ
- TNM_Typ geändert in Menge_TNM_Typ
Anpassung der Elemente „Menge_TNM“ in den Elementen „Diagnose“, „OP“ und „Verlauf“ auf den geänderten Typ
- Weitere_Klassifikation_Typ geändert in Menge>Weitere_Klassifikation_Typ
Anpassung der Elemente „Menge>Weitere_Klassifikation“ in den Elementen „Diagnose“ und „Verlauf“ auf den geänderten Typ

Beim Typ „Melder_Typ“ wurde das Attribut „Melder_ID“ in den Typ mit „hineingezogen“. Beim Element „Melder“ wurde die Verknüpfung zum Melder_Typ via extension entfernt.

Folgenden IDs wurden explizit auf use=„optional“ gestellt:

- Absender_ID
- Software_ID
- Installations_ID
- Histologie_ID

Bei folgenden IDs fehlte die Typangabe. Sie wurden auf den Typ xs:string gesetzt

- Absender_ID
- Software_ID
- Installations_ID

Beim Element „Meldeanlass“ wurde der Werteliste die Ausprägung „histologie_zytologie“ hinzugefügt.

04.02.2016

XML-Schema-Datei auf Version 1.0.4 (von 1.0.3)

ACHTUNG: Diese Version ist KEINE gültige Version!

Sie war versehentlich für einige wenige Stunden zum Download bereitgestellt, als sie noch im Entwurfsstadium war.

13.08.2015

XML-Schema-Datei auf Version 1.0.3 (von 1.0.2)

In folgenden Feldern stand die im regulären Ausdruck scheinbar erlaubte Optionalität des Wertes im Widerspruch zur exakten erlaubten Zeichenanzahl, die bereits, wie gewünscht, keine Übertragung von leeren Feldern erlaubte. Der reguläre Ausdruck wurde angepasst.

- ICD_Typ
- Diagnose->Primaertumor_Topographie_ICD_O
- Diagnose->Diagnosesicherung
- Diagnose->Seitenlokalisation
- Histologie->Grading
- Fernmetastase->FM_Lokalisation
- TNM->TNM_L
- TNM->TNM_V
- TNM->TNM_Pn
- OP->OP_Intention
- ST->ST_Intention
- ST->ST_Stellung_OP
- Bestrahlung->ST_Zielgebiet
- Bestrahlung->ST_Seite_Zielgebiet
- Bestrahlung->ST_Applikationsart
- ST->ST_Ende_Grund
- Nebenwirkung_Typ->Nebenwirkung_Grad
- SYST->SYST_Intention
- SYST->SYST_Stellung_OP
- Menge_Therapieart->SYST_Therapieart
- SYST->SYST_Ende_Grund
- Verlauf->Gesamtbeurteilung_Tumorstatus
- Verlauf->Lokaler_Tumorstatus
- Verlauf->Tumorstatus_Lymphknoten
- Verlauf->Tumorstatus_Fernmetastasen
- Tod->Tod_tumorbedingt
- Menge_Todesursache->Todesursache_ICD
- Tumorkonferenz->Tumorkonferenz_Typ

Im folgenden Feld wurden Anpassungen am Pattern vorgenommen und zusätzlich wurde die max. Länge in eine exakte Länge geändert, so dass jetzt kein leeres Feld mehr übermittelt werden kann:

- TNM->TNM_S

Im folgenden Feld wurden Anpassungen am Pattern vorgenommen, so dass jetzt kein leeres Feld mehr übermittelt werden kann:

- Menge_Komplikation->OP_Komplikation

In folgenden Feldern wurde die Feldlänge von einer exakten Längenangabe auf eine maximale Längenangabe geändert, so dass jetzt auch ein leeres Feld, wie im Basisdatensatz vorgesehen, übertragen werden kann:

- TNM->TNM_y_Symbol
- TNM->TNM_r_Symbol
- TNM->TNM_a_Symbol
- TNM->TNM_c_p_u_Praefix_T
- TNM->TNM_c_p_u_Praefix_N
- TNM->TNM_c_p_u_Praefix_M

09.02.2015

XML-Schema-Datei auf Version 1.0.2 (von 1.0.1)

Vereinfachte Baumdarstellung auf Version 1.0.2 (von 1.0.1)

- Im Feld „TNM_S“ wurde das Pattern so abgeändert, dass eine Eingabe des Wertes „N“ nicht mehr gültig ist.

19.08.2014

XML-Schema-Datei auf Version 1.0.1 (von 1.0)

- Im Feld „OP_Komplikationen“ wurde das Pattern um fehlende Abkürzungen ergänzt.